

CARACTERIZACIÓN DE AISLADOS DE *Phytophthora cinnamomi* Rands DE LA FRANJA AGUACATERA DE MICHOACÁN, MÉXICO.

M.B.N. Lara-Chávez, H. Guillén-Andrade, J. A. Vidales-Fernández, M. Gutiérrez-Contreras, J. López-Medina, M. E. Ángel-Palomares y T. Chávez-Bárceñas.

Facultad de Agrobiología "Presidente Juárez". Universidad Michoacana de San Nicolás de Hidalgo. Paseo Lázaro Cárdenas s/n Uruapan, Michoacán, CP 60190. México. Correo electrónico: blara12001@yahoo.com.mx

En el estado de Michoacán se concentra la mayor extensión de aguacate de México y del mundo. No obstante ello, uno de los principales problemas fitosanitarios en el cultivo, es la enfermedad llamada "Tristeza del aguacatero", causada por *Phytophthora cinnamomi* Rands. La diversidad genética del agente causal es desconocida; esto ha limitado la generación de estrategias eficientes de control. Con el propósito de conocer la diversidad genética del fitopatógeno, se colectaron raíces de árboles de aguacate afectados por *P. cinnamomi* Rands, los aislamientos del oomycete se realizaron en el medio nutritivo PDA (Papa-Dextrosa-Agar), y se recultivaron en el medio nutritivo V8. Un total de 60 aislados provenientes de toda la franja aguacatera, fueron analizados. La caracterización morfológica indicó que la forma de la colonia en picos algodonosa fue del 20 %, arrosetada sin formar picos 15 %, algodonosa arrosetada 20 %, arrosetada 10 %, camelia abierta 5 %, sin formar la flor de la camelia 5 %, camelia abierta formando la flor 10 % y arrosetada concéntrica 20 %. Se llevó a cabo una caracterización molecular a nivel de ADN, para lo cual se utilizó un juego de oligonucleótidos diseñados para la amplificación de la región espaciadora interna 1 (ITS1) del ADN nuclear ribosomal de *Phytophthora* spp. Se obtuvieron productos de amplificación con un tamaño aproximado de 750 pb. Los amplicones secuenciados presentan una identidad máxima de 95% con ITSs de *P. cinnamomi* al realizar un análisis tipo BLAST de las secuencias de nucleótidos (Basic Local Alignment Search Tool, NCBI).